

Estudio de asociación del genoma completo

Un estudio de asociación del genoma completo (GWAS, por sus siglas en inglés) es un método que consiste en la búsqueda rápida de marcadores en el conjunto completo del ADN o el genoma de muchas personas para determinar las variaciones genéticas asociadas a una enfermedad concreta. Una vez identificadas las asociaciones genéticas, los investigadores pueden usar esta información para desarrollar mejores estrategias para tratar y prevenir enfermedades complejas, como el asma, el cáncer o la diabetes.

El Proyecto Genoma Humano ha permitido a los investigadores disponer de un conjunto de herramientas de investigación, como bases de datos informatizadas con la secuencia del genoma humano, un mapa de la variación genética humana y un conjunto de nuevas tecnologías que permite analizar de forma rápida y precisa las muestras del genoma completo para determinar las variaciones genéticas que contribuyen a la aparición de una enfermedad.